

Identificatie patiënt

Naam & voornaam patiënt: _____
 Geboortedatum: _____ Geslacht (M/V): _____

Uz Brussel streekt
 identificatie patiënt

Analyse aanbod**IMMUNOHISTOCHEMIE (IHC)**

- ER - SP1*
- PR - 1E2*
- HER2 / Neu - 4B5*
- EGFR - 5B7*
- ROS-1 - D4D6
- ALK - D5F3*
- PanTRK - EPR17341
- PDL - 22C3* (NSCLC/Gastro/Gyn/UC/HNSCC)
- PDL1 - SP142 (UC/TNBC/NSCLC)
- PDL1 - SP263 (NSCLC/UC/andere tumoren)
- IDH1 - H09
- MMR (MLH1-M1/MSH2-G219-1129/MSH6-SP93/PMS2-EPR3947)
- andere IHC Specificeer: _____

IN-SITU HYBRIDISATIE (ISH)

- SISH HER2*
- FISH Specificeer: _____

MOLECULAIRE ANALYSES

- Idylla BRAF*
- Idylla NRAS - BRAF*
- Idylla KRAS*
- Idylla EGFR*
- Idylla MSI*
- MLH1 Methylatie
- MGMT Methylatie
- NGS BRCA1-BRCA2* (DNA)
- NGS HRR genen* (DNA)

34 genen: ARID1A, ATM, ATR, ATRX, BAP1, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDK12, CDKN2A, CHEK1, CHEK2, FAM175A, FANCA, FANCL, IDH1, MLH1, MRE11, MSH2, MSH6, NBN, PALB2, PMS2, POLD1, POLE, PTEN, RAD50, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, SMARCA4, TP53

- NGS mutatie genen panel* (DNA)

165 genen: AKT1, ALK, APC, AR, ARAF, ARID1A, ATM, ATRX, AXIN1, BAP1, BARD1, BRAF, BRCA1, BRCA2, CDH1, CDK12, CDKN2A, CHEK1, CHEK2, CTNNA1, CUL4B, CYLD, DAXX, DICER1, EGFR, EPCAM, ESRB2, ERBB3, ERBB4, FBXW7, FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNA11, GNAQ, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KIT, KMT2D, KRAS, MAP2K1, MAP2K2, MET, MLH1, MSH2, MSH6, MTOR, MUTHY, MYOD1, NF1, NF2, NOTCH1, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PIK3R1, PMS2, POLD1, POLE, PTEN, PTPN11, RAD51B, RAD54L, RB1, RET, ROS1, SMAD4, SMARCA4, SMARCB1, SMO, STK11, TERT, TP53, TSC1, TSC2, VHL, ALB1, ACVR1, ASXL1, ATR, BCL2, BCL6, BCOR, BRIP1, BTK, CALR, CARD11, CBL, CCND1, CD79B, CDKN2B, CDKN2C, CEBPA, CIC, CRBN, CREBBP, CSF3R, CXCR4, DDR2, DIS3, DNMT3A, EGR1, EIF1AX, EP300, ESR1, ETV6, EZH2, FAM175A, FAM46C, FANCA, FANCL, FAU, FLT3, FOXL2, FOXO1, FUBP1, H3F3A, H3F3B, HIST1H1E, HIST1H3B, HIST1H3C, IKZF1, IRF4, KMT2A, LTB, MEF2B, MPL, MRE11, MYD88, NBN, NF2, NPM1, NUTM1, PALB2, PAX8, PPM1D, PRKARA1A, RAD50, RAD51C, RAD51D, RASAL1, RHOA, RICTOR, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, STAG2, STAT3, TET2, TNFAIP3, TNFRSF14, TRAF3, U2AF1, VAV1, WT1, XRCC2, ZRSR2

In functie van het (primaire) tumortype wordt een genen subset geanalyseerd. Meer info over de samenstelling van de genen subpanels (vaste tumoren: gynaeco, hersenen, long, thyroïd, andere - hematologische tumoren: lymfoïd, myeloid) op <http://www.brightcore.be/stb/>

- NGS Thyroïd Translocatie (RNA)

93 fusietranscripten in 7 genen: RET, PPARG, NTRK1, NTRK3, BRAF, ALK, THADA

- NGS Translocatie Therapie (RNA)

271 fusietranscripten in 23 genen: RET, PPARG, AKT3, ROS1, ERG, EGFR, FGFR2, BRAF, RAF1, PDGFRA, ALK, NTRK1, NTRK2, NTRK3, ABL1, FGFR3, MET, FGFR1, ETV1, ETV5, ERBB2, AXL, MET exon 14 skipping, EGFR VIII

- NGS Translocatie Sarcoma (RNA)

- IgH/TCR herschikking

- TCR herschikking

Studies

- NGS FM1 (Foundation Medicine) - GeNeo studie

DNA mutatie, DNA CNV, DNA translocatie, MSI, TMB

- NGS FM Hemato/Sarcoma (Foundation Medicine) - GeNeo studie

DNA mutatie, DNA CNV, DNA translocatie, MSI, TMB

- NGS TSO500 - Ballett studie

DNA mutatie, DNA CNV, DNA translocatie, MSI, TMB

- Andere Specificeer: _____

Analyse aanbod volgens ComPerMed workflows (<https://www.compermed.be/en/workflows>)

Analyses kunnen wijzigen in functie van het geleverd materiaal

* Analyses onder toepassingsgebied 141-MED - labogids pathologie

https://www.uzbrussel.be/documents/492747/619295/algemene_richtlijnen_anatomo-pathologie.pdf/68ea669a-7733-acea-40cf-3ccc713c67d9?t=1590404570867